

Objectif 2.2	Améliorer les connaissances sur la génétique des populations de lynx
Description	<p>Dans le cadre de l'expertise collective 2.1, conduire et mobiliser des actions de recherche visant à mieux caractériser la diversité génétique des populations de lynx présentes sur les différents massifs en lien avec la démographie de l'espèce et la connectivité, afin d'orienter les réflexions et les priorités pour améliorer la viabilité à l'échelle des métapopulations.</p>
Contexte	<p>Un petit nombre d'individus fondateurs, les effectifs relativement faibles, une connectivité réduite entre les différents massifs, et les modalités de dispersion des individus sont autant de facteurs susceptibles d'impacter la diversité génétique. Les conséquences d'une faible diversité génétique sur les populations de lynx restent peu connues mais des problèmes de consanguinité peuvent avoir un impact sur la survie à long terme des populations. Les premières analyses menées sur des lynx jurassiens et alpins indiquent déjà une diversité génétique plus faible que dans la population souche des Carpates et une structuration spatiale entre la population vosgienne et le reste de l'aire de présence. La fréquence des souffles cardiaques potentiellement liés à des facteurs génétiques semble avoir augmenté dans les populations des Alpes et du Jura suisse et pourrait être un signe d'une dépression de consanguinité.</p> <p>Cet axe du PNA a pour objectif de coconstruire une organisation avec les acteurs intéressés et compétents, et amorcer des actions de recherche sur les caractéristiques génétiques des populations de lynx présentes sur les différents massifs. Ces études devront permettre de caractériser la diversité et la structure génétique des populations de lynx ainsi que les flux de gènes à différentes échelles géographiques. 1) renseigner la structuration génétique du Lynx et les flux de gènes à l'échelle métapopulationnelle, 2) surveiller la consanguinité en lien avec la santé du Lynx (lien vers la fiche santé)</p> <p>Ces actions devront être mises en œuvre en collaboration avec les pays limitrophes, Suisse et Allemagne, afin de garantir la cohérence des protocoles et l'interopérabilité des données à l'échelle de la métapopulation. Elles doivent s'inscrire dans une dynamique de surveillance commune de la population (statut génétique, démographique et sanitaire) et une mobilisation des connaissances sur les déplacements des individus (dispersion), mais également une compréhension de l'habitat, des corridors et des obstacles aux mouvements du Lynx. Les résultats devront servir à orienter les réflexions et les priorités pour améliorer la connectivité écologique entre sous-populations et massifs permettant <i>in fine</i> la constitution d'une métapopulation génétiquement viable.</p>
Indicateurs de suivi et d'évaluation	<p>Indicateurs de suivi : cf. fiches actions</p> <p>Indicateurs d'évaluation :</p> <ul style="list-style-type: none"> • Existence d'un espace de travail partagé entre les acteurs de la métapopulation • Nombre de réunion du Groupe de travail, et d'échanges transfrontaliers • Amélioration de la connaissance de la diversité génétique et de la répartition par massif ?
Partenaires potentiels	<p>KORA (et partenaires du projet « Conservation du Lynx en Suisse : génétique, santé et démographie », FIWI Zentrum für Fisch und Wildtiermedizin, Université de Bern), Laboratoires Vétérinaires Départementaux, membres du réseau SAGIR, SFEPM (réseau de collecte d'échantillons non-invasifs), Laboratoire Chrono-Environnement Université BFC (pour le non-invasif), Centre Athenas</p>

Fiches action

Action n°1					
Libellé et descriptif	Améliorer la connaissance sur les enjeux génétiques : <ul style="list-style-type: none"> • suite à l'expertise 2-1, saisir le MNHN et l'OFB sur l'intérêt de la génétique en termes de conservation du Lynx dans la perspective de la mise en place éventuelle d'actions dans le prochain PNA • mettre en place un groupe de travail sur les enjeux génétiques identifiés et ses implications pour la conservation des populations de lynx 				
Pilote	MNHN/OFB				
Equipe projet	/				
Indicateurs de suivi	<ul style="list-style-type: none"> • Nombre de réunion du groupe de travail 				
Calendrier et coût	2022	2023	2024	2025	2026
			<i>Coût à définir en fonction des éléments issus de l'expertise collective mentionnée au 2.1</i>		

Action n°2					
Libellé et descriptif	Collecter et mutualiser les échantillons (invasifs et non-invasifs), les analyser selon des protocoles permettant les évaluations à l'échelle de la métapopulation et bancariser les résultats et expertiser les possibilités de mutualisation.				
Pilote	OFB				
Equipe projet	APACEFS/ONF/OCS/SFEPM/PNRHJ				
Territorialisation	Massif des Alpes	Massif du Jura		Massif des Vosges	
	Prioritaire	Prioritaire		Prioritaire	
Indicateurs de suivi	<ul style="list-style-type: none"> • Nombre d'échantillons collectés et analysés 				
Calendrier et coût	2022	2023	2024	2025	2026
	24 k€/an				

Actions à mener sur du plus long terme

Libellé et descriptif	Réaliser un diagnostic à l'échelle métapopulationnelle permettant de : <ol style="list-style-type: none"> 1) renseigner la structuration génétique du Lynx et les flux de gènes à l'échelle métapopulationnelle, 2) surveiller la consanguinité en lien avec la santé du Lynx (lien vers la fiche santé)
-----------------------	---